

FORMATION BIO-NGS ANPGM en classe virtuelle synchrone : formation académique à l'analyse de variants issus de NGS d'exome ou de génome entiers

PUBLIC

Biologistes, généticiens médicaux pratiquant le NGS

DATES

10 et 11 mars 2022

LIEU

Compte tenu de la crise sanitaire, la formation aura lieu en distanciel.

OBJECTIF PEDAGOGIQUE

Mise à niveau pour des biologistes / généticiens pratiquant le NGS en panels wet ou *in silico* estimant devoir conforter leurs acquis dans le domaine. La formation est principalement orientée sur l'interprétation de données de panels larges, d'exome ou WGS. *Formation agréée pour le DPC (n°50962200004)*

ORGANISATION PRATIQUE

Classe virtuelle synchrone via la plateforme ON24 : Les participants s'inscrivent sur un site dédié (invitation aux topos) et reçoivent les liens de connexion. Les liens seront envoyés la veille de la formation. Topos de durées variables et 1 atelier ;

Evaluation des connaissances avant et après les topos via des QCM.

Pour les ateliers, les participants choisissent leur atelier à l'inscription selon leur filière de rattachement et/ou leur spécialisation sous réserve d'un nombre minimal de participants.

CONTENU MIS A DISPOSITION DES APPRENANTS

Tous les diaporamas disponibles par envoi d'une clé USB.

INSCRIPTION et PAIEMENT

 $\underline{https://www.helloasso.com/associations/anpgm/adhesions/anpgm-formation-bio-ngs-10-11-mars-\underline{2022}$

PRE-REQUIS ORGANISATIONNEL

Les participants devront avoir accès au logiciel IGV version 2.8.x installé (à noter qu'une interface web est désormais accessible).

ASSOCIATIONS (Conception, contribution)

Formation proposée et coordonnée par l'ANPGM en lien avec le réseau NGS Diag et l'association BioInfoDiag

Réalisée sous l'égide de la FFGH

Structures associatives contributrices: Filières de santé Maladies rares, Achropuce, ACLF, GGC

















Jeudi 10 mars 2022

Topo 1.1	10h00- 11h00	Nicolas SEVENET Cécile ROUZIER Morgane PLUTINO	 Introduction: Contexte de la formation ANPGM Organisation du diagnostic moléculaire par NGS en France Missions des labos de référence, des labos experts PFMG2025 et mission des plateformes LBM SeqOiA et AURAGEN Etat des lieux et recommandations associatives Filières, réseaux, labos Prescripteurs, prescription, arbres décisionnels, RCP d'entrée Facturation des actes Compte-rendus/consentement
Topo 1.2	11h10- 13h00	Julie LECLERC Martin FIGEAC Emilie AIT YAHYA	 Etat des lieux et comparaison des technologies actuelles de NGS dans les laboratoires diagnostics (sample prep, séquençage,) Pipelines bioinformatiques ; Formats de fichiers informatiques

13h00-14h20 REPAS

Topo Agilent	14h20- 14h40	Roubila MEZIANI	Séquençage de nouvelle génération en génétique constitutionnelle et somatique (à confirmer)	
Topo 1.3	14h40- 16h15	Jean MULLER Olivier QUENEZ	 Rappel sur le génome humain et ses variations Annotation des variations Stratégies d'analyse de données et pipelines informatiques (panels wet, panels in silico, WES, WGS) (stratégies de filtration) Pièges liés à l'analyse bioinformatique des données du génome 	

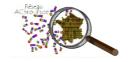
16h15-16h40 Pause

Topo 1.4	16h40- 18h30	Nadège CALMELS Antony LE BECHEC	 Organisation de la qualité dans les laboratoires : norme ISO15189 CQE, CQI, Validation de méthode NGS Validation de méthode pipeline informatique Evaluation de la qualité des données de séquençage NGS Formats, indicateurs, alertes, pièges (faux-positifs, faux-négatifs) Cadre légal, conservation des données (lesquelles ?)
----------	-----------------	------------------------------------	---

















Vendredi 11 mars 2022

Торо 2.1	9h- 9h45	Pascale SAUGIER-VEBER Frédéric TRAN	 Recommandations d'interprétation des variants (ANPGM, réseau NGS-Diag, bioInfoDiag) Check-list d'interprétation Importance des confrontations clinico-biologiques (RCP de sortie, partage de données, réinterprétation)
Торо 2.2	9h50- 11h20	Amélie PITON François LECOQUIERRE	 Recommandations pour l'établissement d'un CR : que fais-je ? Variants en lien avec l'indication primaire Variants sans lien avec l'indication primaire (données incidentes, données secondaires) Tests fonctionnels Interprétation critique d'un résultat négatif

11h20-11h40 Pause

Tono 2 2	11h40-	Gaël NICOLAS	•	Notion de pénétrance incomplète
Topo 2.3	12h40	Gaei NICOLAS		et de facteur de risque

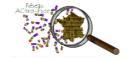
12h40-14h00 REPAS

Topo 14h00- Agilent 14h30 Maarten PIRSON	 Solutions informatiques d'analyse de données dans le cadre du NGS (WGS, WES, panels larges)
---	---

















Topo 2.4 14h30-17h300

Travail en ateliers de spécialités, cas cliniques organisés par thèmes de filières/réseaux, notamment orientés sur les préindications retenues dans le cadre de PFMG2025. Orientés Panels larges/WES/WGS (perspective PFMG)

- 1- Atelier 1 (Eulalie LASSEAUX & Cyril BURIN des ROZIERS): Pour bien débuter une analyse de résultat par NGS: logiciels, fichiers, workflow d'interprétation
- 2- Atelier 2 (Christophe PHILIPPE & Frédéric TRAN): Diagnostic moléculaire par NGS des pathologies neurodéveloppementales et neurosensorielles
 - AnDDI-Rares (Anomalies du développement, déficience intellectuelle de causes rares)
 - BRAIN-TEAM (Maladies rares à expression motrice ou cognitive du système nerveux central)
 - DéfiScience (Maladies rares du développement cérébral et déficience intellectuelle)
 - SENSGENE
- 3- Atelier 3 (Cécile ROUZIER, Samira SAADI, Cécile ACQUAVIVA et Jean-François BENOIST) : Diagnostic moléculaire par NGS des maladies mitochondriales et des maladies héréditaires du métabolisme
 - FILNEMUS (Maladies neuromusculaires) -maladies mitochondriales
 - G2M
- 4- Atelier 4 (Pascale RICHARD & Juliette NECTOUX) : Diagnostic moléculaire par NGS des cardiomyopathies et pathologies neuromusculaires
 - CARDIOGEN (Maladies cardiaques héréditaires)
 - FILNEMUS (Maladies neuromusculaires)
- 5- Atelier 5 (Guillaume SARRABAY & Jérôme BOULIGAND) : Diagnostic moléculaire par NGS des maladies auto-immunes et auto-inflammatoires systémiques rares et des maladies rares endocriniennes
 - FAI2R
 - FIRENDO
- 6- Atelier 6 (Lisa GOLMARD, Edwige KASPER) : Oncogénétique : diagnostic moléculaire par NGS des prédispositions génétiques au cancer
 - GGC
- 7- **Atelier 7** (Emmanuel KHALIFA, Etienne ROULEAU, Damien VASSEUR) : **Génétique** tumorale
 - GGC
 - GFCO

Formation réalisée avec le soutien d'Agilent France









