

DIPLOME UNIVERSITAIRE DE SEQUENCAGE HAUT DEBIT ET BIO-INFORMATIQUE POUR L'ANALYSE DE DONNEES EN BIOLOGIE MEDICALE



Ce DU vous apportera les éléments théoriques et pratiques des nouvelles techniques de séquençage en santé.

PROGRAMME

Module 1: Introduction au NGS et au pipeline analytique

Module 2: Langage de programmation et manipulation de données

Module 3: Applications en santé, bases de données et Interprétation

Module 4: La réglementation en santé et introduction au logiciel R

Dates 2023:

Module 1: 9, 10, 11 janvier

Module 2: 20, 21, 22 février

Module 3: 20, 21, 22 mars

Module 4: 24, 25, 26 avril

Pré-requis

Notions de base en biologie et génétique moléculaire

Durée

4 sessions de 3 jours

De janvier à avril

Lieu

Université de Bordeaux,
146 rue Léo Saignat
33000 Bordeaux

Les +

Analyses NGS
appliquées à la
pratique
médicale

Objectifs

- ▶ Introduction à l'usage de **langage de programmation** pour le traitement de données en biologie
- ▶ **Analyses de données** : mise en œuvre de stratégies d'analyses de données bio-médicales (alignement, filtration, annotation des variants...)
- ▶ Introduction aux **bases de données, outils bio-informatiques** et logiciels nécessaires à l'analyse des données de biologie médicale
- ▶ **Réglementation en santé** : accréditation des nouvelles technologies NGS et bonnes pratiques cliniques.

Public cible

Licence, Master ou Doctorat en Biologie, Pharmacien ou Médecin en Biologie ou Génétique médicale, Ingénieurs en Biologie ou Génétique médicale, Internes (Pharmacie ou Médecine) ou Stagiaires dans ces disciplines.

Tarif

Internes/stagiaires : 600€

En formation continue financée : 1100€

En formation continue non financée : 850€

Contacts et inscription

Collège Sciences de la santé

Diplôme d'Université et Capacités en Médecine

Case 148; 146, rue Léo Saignat; CS 61292 33076 BORDEAUX
Cedex

scolarite.du-capacite@u-bordeaux.fr

Responsables:

Audrey Bidet, Audrey Gros, Eulalie Lasseaux, Jean-Christophe Taveau et Patricia Thebault

du.bioinfomed@chu-bordeaux.fr